

CERTIFICAT D'IDENTITE GENETIQUE

42 / 43861 / 1

Mme Brigitta MAURICE DE BAC-ZANDANELL
Im Ahom 7
08125 Zollikberg

Carte d'identité génétique

nom : **Erasme d'Azur Aux 5 Fusées**

race : **Braque de Weimar à Poil Long**

sexe : **Male**

naissance : **31/08/2009**

identification : **250269500312010**

pedigree : **LOF 32913/5479**

préleveur :
Dr Y. STEIGER
(Zollikon, 8702)
date : **07/07/2012**
numéro : **269778**

AHT130 AHT171 AHT260 AHT211 AHT253 AHT121 AHT137 Antagene CXX279 FH2054 FH2848
NN NO MN LN LL PQ NO XY KN DF MO

INRA21 INU005 INU030 INU055 REN105L03 REN162C04 REN169D01 REN169O18 REN247M23 REN54P11 REN64E19
JM MO MN MO KM MM JJ LL JK PP KN

Compatible avec le norme ISAG 2006

Nom : **Erasme d'Azur Aux 5 Fusées**

Race : **Braque de Weimar à Poil Long**

N° d'identification : **250269500312010**

N° de pedigree : **LOF 32913/5479**

Sexe : **Male**

Date de naissance : **31/08/2009**

Préleveur : **Vétérinaire**

Dr Y. STEIGER
(Zollikon, 8702)

N° officiel du préleveur :

Date de prélèvement : **07/07/2012**

Type de prélèvement : **frottis buccal**

N° de prélèvement : **269778**

Date de réception : **18/07/2012**

Dossier : **70323 / 31815 / 201205182 - 18/07/2012**

Référence : **43861 / 43860 / 76842**

Code résultat : **79239**

Empreinte génétique

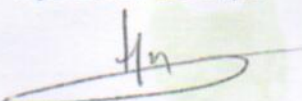
AHT130	AHT171	AHT260	AHT211	AHT253	AHT121	AHT137	Amelogenin	CXX279	FH2054	FH2848
NN	NO	MN	LN	LL	PQ	NO	XY	KN	DF	MO

INRA21	INU005	INU030	INU055	REN105L03	REN162C04	REN169D01	REN169O18	REN247M23	REN54P11	REN64E19
JM	MO	MN	MO	KM	MM	JJ	LL	JK	PP	KN

ISAG2006 / AHT130:129129 / AHT171:231233 / AHT260:246248 / AHT211:9195 / AHTk253:286286 / AHT121:106108 / AHT137:145147 / AMELOGENIN:XY / C22.279:118124 / FH2054:160168 / FH2848:238242 / INRA 21:95101 / INU005:124128 / INU030:150152 / INU055:212216 / REN105L03:231235 / REN162C04:206206 / REN169D01:210210 / REN169O18:162162 / REN247M23:268270 / REN54P11:236236 / REN64E19:141147

Résultat établi le : **24/07/2012**

Lina MUSELET
Ingénieur en Génétique



Explications:

L'empreinte génétique est constituée de la combinaison allélique de marqueurs microsatellites polymorphes appartenant au panel ISAG 2006. À chaque locus microsatellite, le chien possède deux allèles symbolisés par une lettre (de A à Z). La présence éventuelle du symbole (-) indique que ce marqueur n'est pas amplifiable ou analysable chez ce chien (ce phénomène se produit parfois dans certaines races ou pour certains chiens; les autres marqueurs fournissent néanmoins suffisamment d'informations pour identifier le chien). La probabilité d'obtenir des empreintes génétiques différentes pour des individus pris au hasard dans la population est supérieure à 99% (à l'exception des vrais jumeaux pour lesquels les empreintes génétiques sont identiques). La comparaison de deux empreintes génétiques établies indépendamment permet de vérifier l'identité génétique d'un chien. La comparaison des empreintes génétiques entre des reproducteurs et des chiots permet de vérifier les parentés. La probabilité de caractériser correctement les deux allèles au niveau de chacun des 22 marqueurs microsatellites est supérieur à 99%.